Application No: 10658632   Version No: 1.0

Input Set:

Output Set:

Started: 2007-05-23 13:13:10.549

Finished: 2007-05-23 13:13:10.613

Elapsed: 0 hr(s) 0 min(s) 0 sec(s) 64 ms

Total Warnings: 0

Total Errors: 0

No. of SeqIDs Defined: 20

Actual SeqID Count: 20

<110> Chenchik, Alex

<120> Methods for Gene Function Analysis

<130> SBIO/0002

<140> 10658632
<141> 2007-05-23

<150> 10/658,632
<151> 2003-09-08

<160> 20

<170> FastSEQ for Windows Version 4.0

<210> 1
<211> 43
<212> DNA
<213> human

<220>
<221> promoter
<222> (1)...(7)

<221> misc_RNA
<222> (8)...(30)
<223> n=a,t,g,c

<400> 1
ggacgagnnn nnnnnnnnnn nnnnnnnnnn aattcatcta tgt   43

<210> 2
<211> 43
<212> DNA
<213> human

<220>
<221> misc_RNA
<222> (12)...(34)
<223> n=a,t,g,c

<400> 2
cctgctccta gnnnnnnnnn nnnnnnnnnn nnnngtagat aca   43

<210> 3
<211> 59
<212> DNA
<213> human

<220>
<221> misc_RNA
<222> (7)...(53)

<400> 3

gatccggatg atctggatcc accaattcaa gagattggtg gatccagatc atctttttg   59

<210> 4
<211> 59
<212> DNA
<213> human

<220>
<221> misc_RNA
<222> (3)...(59)

<400> 4
gcctactaga cctaggtggt taagttctct aaccacctag gtctagtaga aaaacttaa   59

<210> 5
<211> 75
<212> DNA
<213> human

<220>
<221> misc_RNA
<222> (7)...(69)

<400> 5
gatccgggtg atctggatct accaaggctt gttttcaaga gaaacaagtc ttggtggatc   60
cagatcatct ttttg   75

<210> 6
<211> 69
<212> DNA
<213> human

<220>
<221> misc_RNA
<222> (3)...(59)

<400> 6
gcccactaga cctagatggt tcgaaagttc tctttgttca gaaccactag gtctagtaga   60
aaaacttaa   69

<210> 7
<211> 30
<212> DNA
<213> human

<220>
<221> unsure
<222> (9)...(21)
<223> n=a,t,g,c

<400> 7
tgggaaaann nnnnnnnnnn ntttttagag   30

<210> 8
<211> 30
<212> DNA
<213> human

<220>
<221> unsure
<222> (13)...(25)
<223> n=a,t,g,c

<400> 8
accctttttt tcnnnnnnnn nnnnnatctc   30

<210> 9
<211> 31
<212> DNA
<213> human

<220>
<221> misc_RNA
<222> (6)...(31)
<223> Viral vector sequence

<400> 9
aaaggatgat ctggatccac caagacttgt t   31

<210> 10
<211> 31
<212> DNA
<213> human

<220>
<221> misc_RNA
<222> (2)...(27)
<223> Viral vector sequence

<400> 10
ctactagacc taggtggttc tgaacaaaaa a   31

<210> 11
<211> 59
<212> DNA
<213> human

<220>
<221> misc_RNA
<222> (17)...(42)
<223> n=a,t,g,c

<400> 11
agcagaagac taaaagnnnn nnnnnnnnnn nnnnnnnnnn nnttttatgt cttctacga   59

<210> 12
<211> 19
<212> DNA
<213> human

<220>
<221> primer_bind
<222> (11)...(19)
<223> Viral vector sequence

<400> 12
acgcaggtgt agcagaaga   19

<210> 13
<211> 59
<212> DNA
<213> human

<220>
<221> misc_RNA
<222> (17)...(42)
<223> n=a,t,g,c

<400> 13
agcagaagac taaaagnnnn nnnnnnnnnn nnnnnnnnnn nnttttatgt cttctacga   59

<210> 14
<211> 20
<212> DNA
<213> human

<220>
<221> primer_bind
<222> (1)...(11)
<223> Viral vector sequence

<400> 14
cagaagatgc tcacgacgct   20

<210> 15
<211> 78
<212> DNA
<213> human

<220>
<221> misc_RNA
<222> (27)...(52)
<223> n=a,t,g,c

<400> 15
acgcaggtgt agcagaagac taaaagnnnn nnnnnnnnnn nnnnnnnnnn nnttttatgt 60
cttctacgag tgctgcga   78

<210> 16
<211> 78
<212> DNA
<213> human

<220>
<221> misc_RNA
<222> (27)...(52)
<223> n=a,t,g,c

<400> 16
tgcgtccaca tcgtcttctg attttcnnnn nnnnnnnnnn nnnnnnnnnn nnaaaataca 60
gaagatgctc acgacgct   78

<210> 17
<211> 30
<212> DNA
<213> human

<220>
<221> misc_RNA
<222> (5)...(30)
<223> n=a,t,g,c

<400> 17
aaagnnnnnn nnnnnnnnnn nnnnnnnnnn   30

<210> 18
<211> 30
<212> DNA
<213> human

<220>
<221> misc_RNA
<222> (1)...(26)
<223> n=a,t,g,c

<400> 18
nnnnnnnnnn nnnnnnnnnn nnnnnaaaa   30

<210> 19
<211> 44
<212> DNA
<213> human

<220>
<221> mRNA
<222> (10)...(35)
<223> n=a,t,g,c

<400> 19
tgggaaaagn nnnnnnnnnn nnnnnnnnnn nnnnttttt agag   44

<210> 20
<211> 44
<212> DNA
<213> human

<220>
<221> misc_RNA
<222> (10)...(35)
<223> n=a,t,g,c

<400> 20
acccttttcn nnnnnnnnnn nnnnnnnnnn nnnnnaaaaa tctc   44